

БИОИНФОРМАТИКА

Доне Стојанов
БИОИНФОРМАТИКА

Автор:
доц. д-р Доне Стојанов
НАСЛОВ НА ПУБЛИКАЦИЈАТА
БИОИНФОРМАТИКА

Рецензенти:
проф. д-р Цвета Мартиновска Банде
проф. д-р Александра Милева

Лектор:
Наташа Василевска Трајчевска

Уредник:
Универзитет „Гоце Делчев“ – Штип

Техничко уредување:
доц. д-р Доне Стојанов

Издавач:
Универзитет „Гоце Делчев“ - Штип

Објавено во е-библиотека:
<https://e-lib.ugd.edu.mk>

CIP - Каталогизација во публикација
Национална и универзитетска библиотека "Св. Климент Охридски", Скопје

601.4:577.21]:004.421.4(075.8)

СТОЈАНОВ, Доне
Биоинформатика [Електронски извор] / Доне Стојанов. - Штип :
Универзитет "Гоце Делчев"-Штип, Факултет за информатика, 2018

Начин на пристап (URL): <https://e-lib.ugd.edu.mk/775>. - Текст во PDF

[Биоинформатика - Скрипта | УГД](#)

e-lib.ugd.edu.mk

[Биоинформатика - Скрипта](#)

формат, содржи 54 стр., илустр. - Наслов преземен од екранот. - Опис на
изворот на ден 23.11.2018. - Библиографија: стр. 52-54

ISBN 978-608-244-575-5

а) Биоинформатика - Високошколски учебници
COBISS.MK-ID 108955146

УНИВЕРЗИТЕТ „ГОЦЕ ДЕЛЧЕВ“ – ШТИП
ФАКУЛТЕТ ЗА ИНФОРМАТИКА



доц. д-р Доне Стојанов

БИОИНФОРМАТИКА

Штип, 2018

ПРЕДГОВОР

РАКОПИСОТ ПРЕТСТАВУВА СЕОПФАТЕН ПРЕГЛЕД НА НАЈЧЕСТО КОРИСТЕНИТЕ МЕТОДИ И АЛГОРИТМИ ЗА ПОРАМНУВАЊЕ И ПРЕБАНУВАЊЕ НА ГЕНЕТСКИ СЕКВЕНЦИ. СОДРЖИНАТА НА РАКОПИСОТ Е ОРГАНИЗИРАНА ВО ПЕТ ПОГЛАВЈА. ВО ПРВОТО ПОГЛАВЈЕ ЧИТАТЕЛОТ СЕ ЗАПОЗНАВА СО ОСНОВНИТЕ КОНЦЕПТИ ОД МОЛЕКУЛАРНА БИОЛОГИЈА. ДЕТЕРМИНИСТИЧКИТЕ АЛГОРИТМИ БАЗИРАНИ НА ДИНАМИЧКО ПРОГРАМИРАЊЕ СЕ АНАЛИЗИРАНИ ВО ПРВИОТ ДЕЛ ОД ВТОРОТО ПОГЛАВЈЕ. ВО ВТОРИОТ ДЕЛ ОД ВТОРОТО ПОГЛАВЈЕ ЧИТАТЕЛОТ СЕ ЗАПОЗНАВА СО ХЕВРИСТИЧКИТЕ ПРИСТАПИ ЗА ПРЕБАНУВАЊЕ И ПОРАМНУВАЊЕ, КАКО И АЛГОРИТМИТЕ БАЗИРАНИ НА ИНДЕКСИРАЊЕ НА ГОЛЕМИ ПОДАТОЦИ. СТЕБЛАТА НА СУФИКСИ КАКО ПОГОДНА ПОДАТОЧНА СТРУКТУРА ЗА ИСТАТА НАМЕНА СЕ АНАЛИЗИРАНИ ВО ТРЕТОТО ПОГЛАВЈЕ. ЕВОЛУЦИСКИТЕ МОДЕЛИ КОИ СЕ БАЗИРАНИ НА МАРКОВИ МОДЕЛИ СЕ ЕЛАБОРИРАНИ ВО ЧЕТВРТОТО ПОГЛАВЈЕ, ДОДЕКА МЕТОДИТЕ ЗА ФИЛОГЕНЕТСКА АНАЛИЗА СЕ ОПИШАНИ ВО ПОСЛЕДНОТО ПОГЛАВЈЕ.

РАКОПИСОТ Е НАМЕНЕТ ЗА СТУДЕНТИТЕ ОД 8 (ОСМИ) СЕМЕСТАР НА ФАКУЛТЕТОТ ЗА ИНФОРМАТИКА, НАСОКА: КОМПЈУТЕРСКИ НАУКИ ПРИ УНИВЕРЗИТЕТ „ГОЦЕ ДЕЛЧЕВ“ - ШТИП.

СОДРЖИНА

- 1. ВОВЕД ВО МОЛЕКУЛАРНА БИОЛОГИЈА, СТР. 8**
- 2. АЛГОРИТМИ ЗА ПОРАМНУВАЊЕ И ПРЕБАРУВАЊЕ НА ДНК СЕКВЕНЦИ, СТР. 12**
- 3. ПРЕБАРУВАЊЕ НА СЕКВЕНЦИ И БАЗИ НА ПОДАТОЦИ СО УПОТРЕБА НА СТЕБЛА НА СУФИКСИ, СТР. 37**
- 4. ЕВОЛУЦИСКИ МОДЕЛИ, СТР. 40**
- 5. ФИЛОГЕНЕТСКА АНАЛИЗА: UPGMA И МЕТОД НА FITCH И MARGOLIASH, СТР. 44
ЛИТЕРАТУРА, СТР. 52**